

Recrudescence de foyers d'IAHP H5N8 en Europe en octobre et novembre 2016

Julien Cauchard ¹, Alizé Mercier ^{2,3}, Sylvain Falala^{2,3}, Laure Bournez ⁴

(1) Anses, Laboratoire de Lyon, Unité Epidémiologie, Lyon, France

(2) Inra, UMR 1309 CMAEE, Montpellier, France

(3) Cirad, UMR1309 Contrôle des maladies animales exotiques et émergentes (CMAEE), Montpellier, France

(4) Anses, Unité de coordination et d'appui à la surveillance, Direction des laboratoires, Maisons Alfort

Source : Données ADNS/FAO/OIE au 09/11/2106

Plusieurs foyers confirmés d'influenza aviaire hautement pathogène (IAHP) H5N8 ont été déclarés en Europe ces dernières semaines (depuis le 27 octobre) en Hongrie, en Pologne, en Allemagne et sur le lac de Constance (concernant Suisse/Allemagne/Autriche). Ces foyers touchent tous la faune sauvage hormis un foyer en élevage de dindes en Hongrie. Les espèces en cause ne sont pas toutes formellement identifiées (absence de la dénomination latine officielle). Les souches isolées en Hongrie, Pologne et Allemagne appartiennent au même clade que la souche isolée en Russie au lac Ubsu-Nur (à la frontière avec la Mongolie) en mai-juin 2016 (communication du LNR Influenza aviaire, Anses, Ploufragan).

Hongrie

Le premier foyer européen de cette vague a été déclaré le 27 octobre en Hongrie chez un cygne tuberculé (*Cygnus olor*) trouvé mort le 19 octobre et le second foyer a été déclaré le 4 novembre à proximité de celui-ci (distance de 17 km) dans un élevage de dindes d'engraissement.

Pologne

La Pologne a ensuite déclaré le 4 novembre un foyer en Poméranie. Cinq canards et une mouette ont été trouvés morts sur une plage.

Allemagne

L'Allemagne a confirmé un foyer le 8 novembre dans la région du Schleswig-Holstein chez des canards sauvages.

Lac de Constance

La présence du virus a été confirmée chez des oiseaux sauvages trouvés morts au bord du lac de Constance (zone frontalière entre la Suisse, l'Autriche et l'Allemagne) le 8 novembre par l'Autriche et la Suisse et le 9 novembre par l'Allemagne. Une centaine d'oiseaux (principalement fuligules milouins et morillons *Aythya fuligula* et *A. ferina*) auraient été trouvés morts.

Croatie

Un foyer a été confirmé en Croatie le 9 novembre 2016. Deux cygnes ont été retrouvés morts dans l'est du pays et la souche H5N8 a été confirmée.

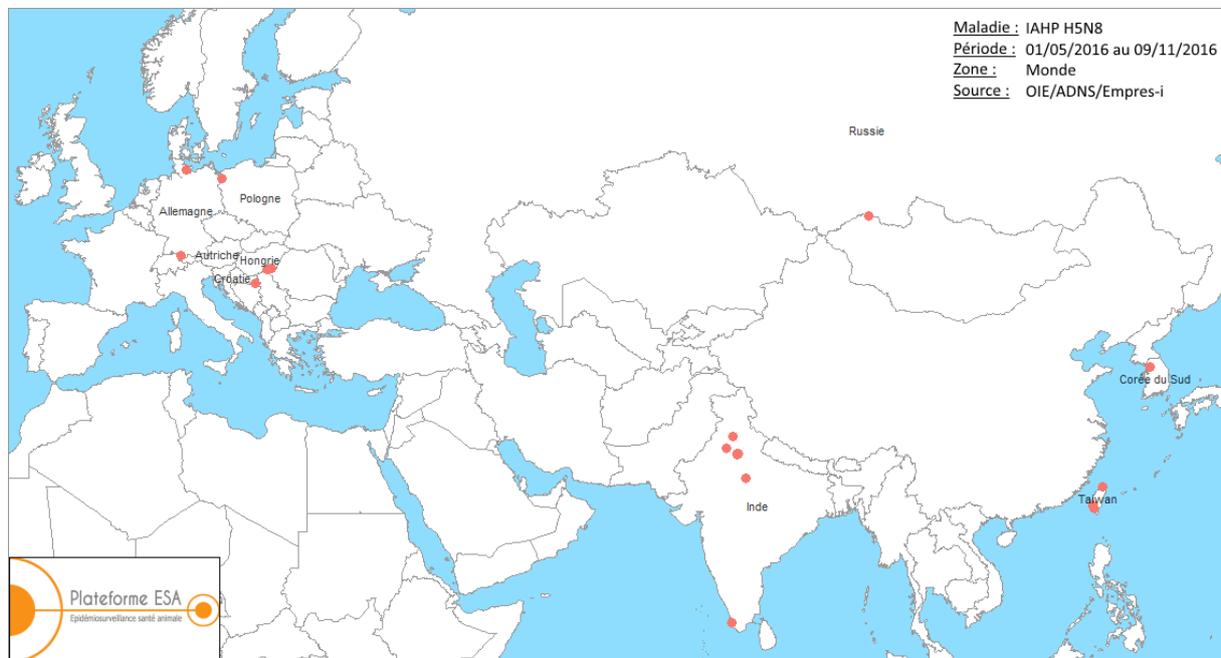


Figure 1 : Carte mondiale des foyers de IAHP H5N8 déclarés entre le 1^{er} mai 2016 et le 9 novembre 2016 (source OIE/ADNS/Empres-i).

Propagation transcontinentale

Le virus IAHP H5N8 Goose/Guandong/96 de clade 2.3.4.4 a été isolé pour la première fois en Chine en 2010 puis a ensuite été responsable d'une épizootie importante en Corée du Sud durant l'hiver 2013-2014. Il s'est ensuite dispersé au Japon (avril 2014), Russie (septembre 2014) en Chine (septembre 2014) (dont Taiwan en janvier 2015), en Europe (novembre 2014), mais aussi au Canada (novembre 2014) et aux Etats-Unis (décembre 2014).

En Europe, le virus a été détecté dans onze élevages domestiques et chez des oiseaux sauvages entre novembre 2014 et février 2015 dans six pays (Allemagne, Pays-Bas, Royaume-Uni, Italie, Hongrie, Suède). En Amérique, ce virus (ainsi que des virus proches H5N2 et H5N1) a été détecté entre novembre 2014 et juillet 2015 dans des élevages domestiques et chez des oiseaux sauvages au Canada et aux Etats-Unis (15 Etats concernés). Sauf en Hongrie, les élevages infectés en Europe et Canada étaient situés dans des zones humides et les investigations conduites ont conclu à une probable introduction via un contact direct ou indirect (matériel contaminé) avec des oiseaux sauvages infectés (The Global Consortium for H5N8 and Related Influenza Viruses 2016)

En Asie, le virus est enzootique et a été régulièrement détecté depuis janvier 2015 à Taiwan. Il a été également détecté en République de Corée en mars et avril 2016 dans des élevages domestiques. Le virus IAHP H5N8 (souche Goose/Guandong/96 de clade 2.3.4.4) a été isolé en Russie dans la région du lac Ubsu-Nur dans la république de Touva (Fédération de Russie) à la frontière avec le nord de la Mongolie fin mai - début juin 2016 chez des oiseaux migrateurs (*Chroicocephalus ridibundus*, *Ardea cinerea*, *Sterna hirundo*, *Podiceps cristatus*, *Phalacrocorax carbo*, *Anatidae*). Ce site est un lieu de fort passage des oiseaux migrateurs (site de repos) entre le sud de l'Asie et le nord de la Russie / Asie. Des foyers dus au virus H5N8 HP ont également été rapportés en Inde entre le 19 octobre et le 3 novembre (foyers dans cinq zones différentes dans le sud et le nord du pays touchant des élevages domestiques et des oiseaux de zoo)

La détection du virus chez des oiseaux sauvages en Russie au printemps 2016 a mis en évidence une circulation locale du virus chez les oiseaux sauvages en Asie. Comme en automne-hiver 2014, l'origine de l'introduction du virus en Europe n'est pas déterminée (introduction par des oiseaux migrateurs ou importation légale ou illégale d'animaux vivants ou produits dérivés en provenance de zones infectées) (EFSA, 2014 ; The Global Consortium for H5N8 and Related Influenza Viruses 2016). Cependant, les oiseaux migrateurs infectés sont apparus lors de la précédente épizootie être responsables de la dispersion du virus sur de courtes à moyennes distances, probablement de l'Europe du Nord vers l'Europe de l'Ouest et de l'Est et être à l'origine de la contamination de certains élevages.

Références :

Role for migratory wild birds in the global spread of avian influenza H5N8, Science 14 Oct 2016:Vol. 354, Issue 6309, pp. 213-217DOI: 10.1126/science.aaf8852

H5N8 highly pathogenic avian influenza (HPAI) of clade 2.3.4.4 detected through surveillance of wild migratory birds in the Tyva Republic, the Russian Federation – potential for international spread, Empreswatch septembre 2016 - <http://www.fao.org/3/a-i6113e.pdf>

EFSA, 2014. Highly pathogenic avian influenza A subtype H5N8. EFSA Journal 2014;12(12):3941, 32 pp. doi:10.2903/j.efsa.2014.3941.